

hg18 hg19_2

Y-Short Tandem Repeat (Y-STR) Position with in the Human Genome

STR data for hg 18 from From http://ymap.ftdna.com/cgi-bin/gb2/gbrowse/hs_chrY/

Conversion via <http://genome.ucsc.edu/cgi-bin/hgLiftOver>

Note DYF406 position is suspect as it did not convert directly

Conversion by John S Walden 31 Jan 2013

Name	Type		Hg 18 Start	Hg 18 End	Hg 19 Start	Hg 19 End
CDY_1	repeat	chrY	24561409	24561684	26152021	26152296
CDY_2	repeat	chrY	26219523	26219802	27810135	27810414
DXYS156_Y	repeat	chrY	3212191	3212355	3152191	3152355
DXYS85_Y	repeat	chrY	1867089	1867166	1857089	1857166
DYF155_1	repeat	chrY	7520090	7521567	7460090	7461567
DYF155_2	repeat	chrY	23296060	23296262	24886672	24886874
DYF371_1	repeat	chrY	18485602	18485796	19976208	19976402
DYF371_2	repeat	chrY	18662760	18662954	20203372	20203566
DYF371_3	repeat	chrY	24589107	24589310	26179719	26179922
DYF371_4	repeat	chrY	26191891	26192097	27782503	27782709
DYF380_1	repeat	chrY	24389502	24389690	25980114	25980302
DYF380_2	repeat	chrY	26391473	26391661	27982085	27982273
DYF381_1	repeat	chrY	24270302	24270553	25860914	25861165
DYF381_2	repeat	chrY	26510591	26510842	28101203	28101454
DYF382	repeat	chrY	12470562	12470737	13960562	13960737
DYF383_1	repeat	chrY	24299173	24299316	25889785	25889928
DYF383_2	repeat	chrY	26481838	26481981	28072450	28072593
DYF384_1	repeat	chrY	9033697	9033829	8973697	8973829
DYF384_2	repeat	chrY	22299316	22299445	23889928	23890057
DYF385_1	repeat	chrY	24494189	24494390	26084801	26085002
DYF385_2	repeat	chrY	26286792	26286996	27877404	27877608
DYF386_1	repeat	chrY	22577893	22578008	24168505	24168620
DYF386_1	repeat	chrY	24187186	24187310	25777798	25777922
DYF386_2	repeat	chrY	23119449	23119567	24710061	24710179
DYF386_4	repeat	chrY	26593838	26593962	28184450	28184574
DYF387_1	repeat	chrY	24340828	24341084	25931440	25931696
DYF387_2	repeat	chrY	26440067	26440327	28030679	28030939
DYF388_1	repeat	chrY	24295012	24295351	25885624	25885963
DYF388_2	repeat	chrY	26485803	26486134	28076415	28076746
DYF389	repeat	chrY	19820542	19820741	21361154	21361353
DYF390_1	repeat	chrY	24849841	24850059	26440453	26440671
DYF390_2	repeat	chrY	25931154	25931376	27521766	27521988
DYF391_1	repeat	chrY	16855264	16855452	18345870	18346058
DYF391_2	repeat	chrY	16972431	16972619	18463037	18463225
DYF392	repeat	chrY	15909235	15909402	17399841	17400008

hg18 hg19_2

DYF393	repeat	chrY	22170955	22171115	23761567	23761727
DYF394	repeat	chrY	22361489	22361619	23952101	23952231
DYF395_1	repeat	chrY	18248579	18248820	19739185	19739426
DYF395_2	repeat	chrY	18899736	18899977	20440348	20440589
DYF396_1	repeat	chrY	24644149	24644335	26234761	26234947
DYF396_2	repeat	chrY	26136871	26137057	27727483	27727669
DYF397_1	repeat	chrY	22577893	22578078	24168505	24168690
DYF397_2	repeat	chrY	23119379	23119567	24709991	24710179
DYF397_3	repeat	chrY	24187186	24187380	25777798	25777992
DYF397_4	repeat	chrY	26593768	26593962	28184380	28184574
DYF398	repeat	chrY	7568302	7568526	7508302	7508526
DYF398	repeat	chrY	8888067	8888264	8828067	8828264
DYF399_1	repeat	chrY	23505757	23506058	25096369	25096670
DYF399_2	repeat	chrY	25139514	25139802	26730126	26730414
DYF399_3	repeat	chrY	25641358	25641650	27231970	27232262
DYF400_1	repeat	chrY	18408900	18409159	19899506	19899765
DYF400_2	repeat	chrY	18739399	18739658	20280011	20280270
DYF401_1	repeat	chrY	24294992	24295351	25885604	25885963
DYF401_2	repeat	chrY	26485803	26486154	28076415	28076766
DYF403_1	repeat	chrY	6285842	6286153	6225842	6226153
DYF403_2	repeat	chrY	10264225	10264540	9654225	9654540
DYF404_1	repeat	chrY	24363443	24363639	25954055	25954251
DYF404_2	repeat	chrY	26417520	26417708	28008132	28008320
DYF405	repeat	chrY	7505801	7506093	7445801	7446093
DYF406	repeat	chrY	22252921	22252921	23843533	23843534
DYF407_1	repeat	chrY	14629244	14629441	16119850	16120047
DYF407_2	repeat	chrY	14655837	14656034	16146443	16146640
DYF408_1	repeat	chrY	18533232	18533442	20023838	20024048
DYF408_2	repeat	chrY	18615089	18615323	20105695	20105929
DYF408_3	repeat	chrY	24636522	24636709	26227134	26227321
DYF408_4	repeat	chrY	26144496	26144683	27735108	27735295
DYF409_1	repeat	chrY	19118664	19118867	20659276	20659479
DYF409_2	repeat	chrY	19444087	19444286	20984699	20984898
DYF410_1	repeat	chrY	24849789	24850059	26440401	26440671
DYF410_2	repeat	chrY	25931154	25931428	27521766	27522040
DYF411_1	repeat	chrY	19107925	19108113	20648537	20648725
DYF411_2	repeat	chrY	19454836	19455024	20995448	20995636
DYF412_1	repeat	chrY	18199508	18199631	19690114	19690237
DYF412_2	repeat	chrY	18948923	18949051	20489535	20489663
DYS19	repeat	chrY	10131934	10132128	9521934	9522128
DYS19_NA07022	snp	chrY	10131934	10132128	9521934	9522128
DYS290	repeat	chrY	529519	529809	559519	559809

hg18 hg19_2

DYS385_1	repeat	chrY	19260844	19261212	20801456	20801824
DYS385_1_NA07022	snp	chrY	19260844	19261212	20801456	20801824
DYS385_2	repeat	chrY	19301724	19302104	20842336	20842716
DYS385_2_NA07022	snp	chrY	19301724	19302104	20842336	20842716
DYS386	repeat	chrY	2781075	2781435	2721075	2721435
DYS389	repeat	chrY	13122078	13122324	14612070	14612316
DYS389B_NA07022	snp	chrY	13122100	13122515	14612092	14612507
DYS390	repeat	chrY	15784268	15784613	17274874	17275219
DYS390_NA07022	snp	chrY	15784268	15784613	17274874	17275219
DYS391	repeat	chrY	12612758	12613044	14102758	14103044
DYS391_NA07022	snp	chrY	12612758	12613044	14102758	14103044
DYS392	repeat	chrY	21043146	21043399	22633758	22634011
DYS392_NA07022	snp	chrY	21043146	21043399	22633758	22634011
DYS393	repeat	chrY	3191128	3191246	3131128	3131246
DYS393_NA07022	snp	chrY	3191128	3191246	3131128	3131246
DYS402	repeat	chrY	818410	818694	848410	848694
DYS403	repeat	chrY	2631541	2631742	2571541	2571742
DYS413_1	repeat	chrY	14608458	14608631	16099064	16099237
DYS413_2	repeat	chrY	14676647	14676820	16167253	16167426
DYS426	repeat	chrY	17644207	17644303	19134813	19134909
DYS434	repeat	chrY	12976486	12976599	14466478	14466591
DYS435	repeat	chrY	13006206	13006415	14496198	14496407
DYS436	repeat	chrY	13713190	13713322	15203796	15203928
DYS437	repeat	chrY	12976972	12977163	14466964	14467155
DYS437_NA07022	snp	chrY	12976972	12977163	14466964	14467155
DYS438	repeat	chrY	13447189	13447409	14937795	14938015
DYS438_NA07022	snp	chrY	13447189	13447409	14937795	14938015
DYS439	repeat	chrY	13025167	13025418	14515159	14515410
DYS439_NA07022	snp	chrY	13025167	13025418	14515159	14515410
DYS440	repeat	chrY	13524895	13525393	15015501	15015999
DYS441	repeat	chrY	13491111	13491502	14981717	14982108
DYS442	repeat	chrY	13270458	13270762	14761064	14761368
DYS443	repeat	chrY	7568233	7568528	7508233	7508528
DYS444	repeat	chrY	17735416	17735723	19226022	19226329
DYS445	repeat	chrY	20551836	20552098	22092448	22092710
DYS446	repeat	chrY	3191434	3191741	3131434	3131741
DYS447	repeat	chrY	13788086	13788296	15278692	15278902
DYS448	repeat	chrY	22774388	22774681	24365000	24365293
DYS448_NA07022	snp	chrY	22774388	22774681	24365000	24365293
DYS449	repeat	chrY	8277908	8278262	8217908	8218262
DYS452	repeat	chrY	20079843	20080048	21620455	21620660
DYS453	repeat	chrY	2882713	2882843	2822713	2822843

hg18 hg19_2

DYS454	repeat	chrY	8284083	8284282	8224083	8224282
DYS455	repeat	chrY	6971459	6971638	6911459	6911638
DYS456	repeat	chrY	4330942	4331090	4270942	4271090
DYS456_NA07022	snp	chrY	4330942	4331090	4270942	4271090
DYS457	repeat	chrY	12976913	12977141	14466905	14467133
DYS458	repeat	chrY	7927839	7927961	7867839	7867961
DYS458_NA07022	snp	chrY	7927839	7927961	7867839	7867961
DYS459_1	repeat	chrY	24488178	24488329	26078790	26078941
DYS459_2	repeat	chrY	26292857	26293004	27883469	27883616
DYS460	repeat	chrY	19510186	19510354	21050798	21050966
DYS461	repeat	chrY	19510021	19510202	21050633	21050814
DYS462	repeat	chrY	19776397	19776578	21317009	21317190
DYS463	repeat	chrY	7703407	7703660	7643407	7643660
DYS464_1	repeat	chrY	23650210	23650484	25240822	25241096
DYS464_2	repeat	chrY	23881285	23881563	25471897	25472175
DYS464_3	repeat	chrY	25283955	25284229	26874567	26874841
DYS464_4	repeat	chrY	25496957	25497223	27087569	27087835
DYS466	repeat	chrY	13146095	13146210	14636086	14636201
DYS467	repeat	chrY	13122433	13122547	14612425	14612539
DYS468	repeat	chrY	19936336	19936690	21476948	21477302
DYS469	repeat	chrY	19924046	19924501	21464658	21465113
DYS470	repeat	chrY	21178871	21179091	22769483	22769703
DYS471	repeat	chrY	22170955	22171115	23761567	23761727
DYS472	repeat	chrY	15017821	15017926	16508427	16508532
DYS473	repeat	chrY	13939403	13939525	15430009	15430131
DYS474	repeat	chrY	16481017	16481133	17971623	17971739
DYS475	repeat	chrY	16421675	16421807	17912281	17912413
DYS476	repeat	chrY	16558081	16558199	18048687	18048805
DYS477	repeat	chrY	22822568	22822805	24413180	24413417
DYS478	repeat	chrY	5374854	5375063	5314854	5315063
DYS479	repeat	chrY	22361489	22361619	23952101	23952231
DYS480	repeat	chrY	8429320	8429474	8369320	8369474
DYS481	repeat	chrY	8486347	8486474	8426347	8426474
DYS482_1	repeat	chrY	24389502	24389690	25980114	25980302
DYS482_2	repeat	chrY	26391473	26391661	27982085	27982273
DYS483	repeat	chrY	17644216	17644337	19134822	19134943
DYS484	repeat	chrY	17558811	17558960	19049417	19049566
DYS485	repeat	chrY	20558954	20559231	22099566	22099843
DYS486_1	repeat	chrY	18248579	18248820	19739185	19739426
DYS486_2	repeat	chrY	18899736	18899977	20440348	20440589
DYS487	repeat	chrY	8974022	8974246	8914022	8914246
DYS488	repeat	chrY	6652487	6652708	6592487	6592708

hg18 hg19_2

DYS489	repeat	chrY	20269167	20269390	21809779	21810002
DYS490	repeat	chrY	3503702	3503873	3443702	3443873
DYS491	repeat	chrY	15566185	15566389	17056791	17056995
DYS492	repeat	chrY	15923677	15923887	17414283	17414493
DYS493	repeat	chrY	7217311	7217439	7157311	7157439
DYS494	repeat	chrY	19845511	19845688	21386123	21386300
DYS495	repeat	chrY	13520576	13520787	15011182	15011393
DYS496	repeat	chrY	4615468	4615682	4555468	4555682
DYS497	repeat	chrY	16674737	16674938	18165343	18165544
DYS498_1	repeat	chrY	24270302	24270553	25860914	25861165
DYS498_2	repeat	chrY	26510591	26510842	28101203	28101454
DYS499	repeat	chrY	16163076	16163200	17653682	17653806
DYS500_1	repeat	chrY	24644149	24644335	26234761	26234947
DYS500_2	repeat	chrY	26136871	26137057	27727483	27727669
DYS501	repeat	chrY	16311528	16311814	17802134	17802420
DYS502	repeat	chrY	15199418	15199628	16690024	16690234
DYS503_1	repeat	chrY	22577893	22578078	24168505	24168690
DYS503_2	repeat	chrY	23119379	23119567	24709991	24710179
DYS503_3	repeat	chrY	24187186	24187380	25777798	25777992
DYS503_4	repeat	chrY	26593768	26593962	28184380	28184574
DYS504	repeat	chrY	2963148	2963439	2903148	2903439
DYS505	repeat	chrY	3700750	3700923	3640750	3640923
DYS506	repeat	chrY	14572496	14572787	16063102	16063393
DYS507	repeat	chrY	13120803	13121147	14610795	14611139
DYS508	repeat	chrY	16303175	16303351	17793781	17793957
DYS509	repeat	chrY	6470762	6471085	6410762	6411085
DYS510	repeat	chrY	15809210	15809462	17299816	17300068
DYS511	repeat	chrY	15814150	15814391	17304756	17304997
DYS512	repeat	chrY	15816811	15817086	17307417	17307692
DYS513	repeat	chrY	15951105	15951261	17441711	17441867
DYS514	repeat	chrY	16576761	16577013	18067367	18067619
DYS515	repeat	chrY	7568302	7568526	7508302	7508526
DYS515	repeat	chrY	8888067	8888264	8828067	8828264
DYS516	repeat	chrY	15592307	15592479	17082913	17083085
DYS517	repeat	chrY	15787579	15787820	17278185	17278426
DYS518	repeat	chrY	15829233	15829511	17319839	17320117
DYS519_1	repeat	chrY	23505757	23506058	25096369	25096670
DYS519_2	repeat	chrY	25139514	25139802	26730126	26730414
DYS519_3	repeat	chrY	25641358	25641650	27231970	27232262
DYS520	repeat	chrY	7790373	7790551	7730373	7730551
DYS521	repeat	chrY	10384321	10384553	9774321	9774553
DYS522	repeat	chrY	7475373	7475724	7415373	7415724

hg18 hg19_2

DYS523	repeat	chrY	18009509	18009647	19500115	19500253
DYS524_1	repeat	chrY	18408900	18409159	19899506	19899765
DYS524_2	repeat	chrY	18739399	18739658	20280011	20280270
DYS525	repeat	chrY	7136727	7137033	7076727	7077033
DYS526	repeat	chrY	3700396	3700765	3640396	3640765
DYS527_1	repeat	chrY	24294992	24295351	25885604	25885963
DYS527_2	repeat	chrY	26485803	26486154	28076415	28076766
DYS529_1	repeat	chrY	6285842	6286153	6225842	6226153
DYS529_2	repeat	chrY	10264225	10264540	9654225	9654540
DYS530	repeat	chrY	8453508	8453644	8393508	8393644
DYS531	repeat	chrY	8526160	8526275	8466160	8466275
DYS532	repeat	chrY	8438971	8439449	8378971	8379449
DYS533	repeat	chrY	16902499	16902712	18393105	18393318
DYS534	repeat	chrY	16902308	16902515	18392914	18393121
DYS535_1	repeat	chrY	24363443	24363639	25954055	25954251
DYS535_2	repeat	chrY	26417520	26417708	28008132	28008320
DYS536	repeat	chrY	2974846	2975122	2914846	2915122
DYS537	repeat	chrY	17868164	17868329	19358770	19358935
DYS538	repeat	chrY	17467318	17467524	18957924	18958130
DYS539	repeat	chrY	17200269	17200529	18690875	18691135
DYS540	repeat	chrY	17074538	17074803	18565144	18565409
DYS541	repeat	chrY	17748382	17748678	19238988	19239284
DYS542	repeat	chrY	17735417	17735664	19226023	19226270
DYS543	repeat	chrY	17881591	17881896	19372197	19372502
DYS544	repeat	chrY	17091272	17091485	18581878	18582091
DYS545	repeat	chrY	7774962	7775084	7714962	7715084
DYS546	repeat	chrY	17855650	17855949	19346256	19346555
DYS547	repeat	chrY	17381317	17381754	18871923	18872360
DYS551	repeat	chrY	12573114	12573257	14063114	14063257
DYS553	repeat	chrY	7505801	7506093	7445801	7446093
DYS556	repeat	chrY	21010733	21010943	22601345	22601555
DYS557	repeat	chrY	21643997	21644192	23234609	23234804
DYS558	repeat	chrY	15232724	15232892	16723330	16723498
DYS559	repeat	chrY	14206429	14206566	15697035	15697172
DYS560_1	repeat	chrY	14629244	14629441	16119850	16120047
DYS560_2	repeat	chrY	14655837	14656034	16146443	16146640
DYS561	repeat	chrY	15073657	15073849	16564263	16564455
DYS562	repeat	chrY	14751956	14752133	16242562	16242739
DYS563_1	repeat	chrY	18533232	18533442	20023838	20024048
DYS563_2	repeat	chrY	18615089	18615323	20105695	20105929
DYS563_3	repeat	chrY	24636522	24636709	26227134	26227321
DYS563_4	repeat	chrY	26144496	26144683	27735108	27735295

hg18 hg19_2

DYS564_1	repeat	chrY	19118664	19118867	20659276	20659479
DYS564_2	repeat	chrY	19444087	19444286	20984699	20984898
DYS565	repeat	chrY	15036050	15036324	16526656	16526930
DYS566_1	repeat	chrY	24849789	24850059	26440401	26440671
DYS566_2	repeat	chrY	25931154	25931428	27521766	27522040
DYS567	repeat	chrY	14807783	14808067	16298389	16298673
DYS568	repeat	chrY	8882419	8882682	8822419	8822682
DYS569	repeat	chrY	7334628	7334894	7274628	7274894
DYS570	repeat	chrY	6921115	6921370	6861115	6861370
DYS571	repeat	chrY	15256726	15256938	16747332	16747544
DYS572	repeat	chrY	3739594	3739839	3679594	3679839
DYS573	repeat	chrY	21472998	21473240	23063610	23063852
DYS574	repeat	chrY	15093230	15093451	16583836	16584057
DYS575	repeat	chrY	7496120	7496340	7436120	7436340
DYS576	repeat	chrY	7113302	7113492	7053302	7053492
DYS577	repeat	chrY	17433945	17434146	18924551	18924752
DYS578	repeat	chrY	20971879	20972048	22562491	22562660
DYS579	repeat	chrY	2902088	2902312	2842088	2842312
DYS580	repeat	chrY	22871161	22871383	24461773	24461995
DYS581	repeat	chrY	12997588	12997836	14487580	14487828
DYS582	repeat	chrY	12657995	12658163	14147995	14148163
DYS583	repeat	chrY	14745532	14745705	16236138	16236311
DYS584	repeat	chrY	21014916	21015115	22605528	22605727
DYS585	repeat	chrY	19827449	19827739	21368061	21368351
DYS586_1	repeat	chrY	19107925	19108113	20648537	20648725
DYS586_2	repeat	chrY	19454836	19455024	20995448	20995636
DYS587	repeat	chrY	16538047	16538346	18028653	18028952
DYS588	repeat	chrY	15816549	15816702	17307155	17307308
DYS589	repeat	chrY	22894984	22895258	24485596	24485870
DYS590	repeat	chrY	8615933	8616049	8555933	8556049
DYS591_1	repeat	chrY	18199508	18199631	19690114	19690237
DYS591_2	repeat	chrY	18948923	18949051	20489535	20489663
DYS592	repeat	chrY	7783747	7783997	7723747	7723997
DYS593	repeat	chrY	17095070	17095291	18585676	18585897
DYS594	repeat	chrY	20116133	20116396	21656745	21657008
DYS595	repeat	chrY	14926701	14926957	16417307	16417563
DYS596	repeat	chrY	8447486	8447807	8387486	8387807
DYS597	repeat	chrY	7774815	7775098	7714815	7715098
DYS598	repeat	chrY	8473003	8473249	8413003	8413249
DYS599	repeat	chrY	8486215	8486481	8426215	8426481
DYS600	repeat	chrY	8526063	8526346	8466063	8466346
DYS601	repeat	chrY	14418333	14418676	15908939	15909282

hg18 hg19_2

DYS602	repeat	chrY	15566248	15566509	17056854	17057115
DYS603	repeat	chrY	15592164	15592483	17082770	17083089
DYS604	repeat	chrY	15923572	15923829	17414178	17414435
DYS605	repeat	chrY	15950939	15951306	17441545	17441912
DYS606	repeat	chrY	16373526	16373922	17864132	17864528
DYS607	repeat	chrY	16923700	16923892	18414306	18414498
DYS608	repeat	chrY	17841370	17841611	19331976	19332217
DYS609	repeat	chrY	17863048	17863389	19353654	19353995
DYS610	repeat	chrY	22170884	22171122	23761496	23761734
DYS611	repeat	chrY	12611103	12611518	14101103	14101518
DYS612	repeat	chrY	14261943	14262146	15752549	15752752
DYS613	repeat	chrY	8802657	8802843	8742657	8742843
DYS614	repeat	chrY	8561402	8561828	8501402	8501828
DYS615	repeat	chrY	10465613	10465762	9855613	9855762
DYS616	repeat	chrY	10030084	10030220	9420084	9420220
DYS617	repeat	chrY	17590862	17591084	19081468	19081690
DYS618	repeat	chrY	21769786	21769974	23360398	23360586
DYS619	repeat	chrY	5932220	5932387	5872220	5872387
DYS620	repeat	chrY	16728238	16728397	18218844	18219003
DYS621	repeat	chrY	14162743	14162932	15653349	15653538
DYS622	repeat	chrY	16635088	16635267	18125694	18125873
DYS623	repeat	chrY	16670209	16670390	18160815	18160996
DYS624	repeat	chrY	16671829	16672109	18162435	18162715
DYS625	repeat	chrY	15656703	15657080	17147309	17147686
DYS626	repeat	chrY	22826352	22826604	24416964	24417216
DYS627	repeat	chrY	8709930	8710266	8649930	8650266
DYS628	repeat	chrY	8277908	8278232	8217908	8218232
DYS629	repeat	chrY	5475182	5475401	5415182	5415401
DYS630	repeat	chrY	19937113	19937292	21477725	21477904
DYS631	repeat	chrY	12450101	12450226	13940101	13940226
DYS632	repeat	chrY	14418371	14418521	15908977	15909127
DYS633	repeat	chrY	14561915	14562037	16052521	16052643
DYS634	repeat	chrY	14737218	14737373	16227824	16227979
DYS635	repeat	chrY	12889519	12889694	14379517	14379692
DYS635_NA07022	snp	chrY	12889519	12889694	14379517	14379692
DYS636	repeat	chrY	21044137	21044391	22634749	22635003
DYS637	repeat	chrY	21386842	21387111	22977454	22977723
DYS638	repeat	chrY	16154808	16155069	17645414	17645675
DYS639	repeat	chrY	8284048	8284313	8224048	8224313
DYS640	repeat	chrY	16373586	16373854	17864192	17864460
DYS641	repeat	chrY	14643607	14643826	16134213	16134432
DYS642	repeat	chrY	17481531	17481714	18972137	18972320

hg18 hg19_2

DYS643	repeat	chrY	15935379	15935523	17425985	17426129
DYS644	repeat	chrY	16290845	16291005	17781451	17781611
DYS645	repeat	chrY	21737205	21737469	23327817	23328081
DYS648	repeat	chrY	14418345	14418578	15908951	15909184
DYS649	repeat	chrY	14351884	14351988	15842490	15842594
DYS650	repeat	chrY	10462743	10463022	9852743	9853022
DYS651	repeat	chrY	7724339	7724642	7664339	7664642
DYS652	repeat	chrY	13788094	13788293	15278700	15278899
DYS653	repeat	chrY	21737100	21737515	23327712	23328127
DYS655	repeat	chrY	57442559	57442861	59033171	59033473
DYS708	repeat	chrY	15784227	15784470	17274833	17275076
DYS709	repeat	chrY	15592282	15592479	17082888	17083085
DYS710	repeat	chrY	17946007	17946231	19436613	19436837
DYS711	repeat	chrY	8393440	8393797	8333440	8333797
DYS712	repeat	chrY	14067801	14067970	15558407	15558576
DYS713	repeat	chrY	7891987	7892306	7831987	7832306
DYS714	repeat	chrY	20607095	20607288	22147707	22147900
DYS715	repeat	chrY	16171525	16171720	17662131	17662326
DYS716	repeat	chrY	11250092	11250315	13140092	13140315
DYS717	repeat	chrY	15822536	15822785	17313142	17313391
DYS718	repeat	chrY	15774154	15774364	17264760	17264970
DYS719	repeat	chrY	15566186	15566390	17056792	17056996
DYS720	repeat	chrY	15706044	15706282	17196650	17196888
DYS721	repeat	chrY	15785109	15785399	17275715	17276005
DYS722	repeat	chrY	15787603	15787876	17278209	17278482
DYS723	repeat	chrY	15791291	15791484	17281897	17282090
DYS724_1	repeat	chrY	24561409	24561684	26152021	26152296
DYS724_2	repeat	chrY	26219523	26219802	27810135	27810414
DYS725_1	repeat	chrY	23659966	23660147	25250578	25250759
DYS725_2	repeat	chrY	23871633	23871812	25462245	25462424
DYS725_3	repeat	chrY	25293702	25293881	26884314	26884493
DYS725_4	repeat	chrY	25487301	25487484	27077913	27078096
DYS726	repeat	chrY	12062306	12062503	13602306	13602503
Y-GATA-A10	repeat	chrY	17228207	17228372	18718813	18718978
Y-GATA-A10	repeat	chrY	17228207	17228372	18718813	18718978
Y-GATA-A10	repeat	chrY	17228207	17228372	18718813	18718978
Y-GATA-A7.2	repeat	chrY	19510021	19510202	21050633	21050814
Y-GATA-A7.2	repeat	chrY	19510021	19510202	21050633	21050814
Y-GATA-A8	repeat	chrY	1330568	1330795	1320568	1320795
Y-GATA-A8	repeat	chrY	1330568	1330795	1320568	1320795
Y-GATA-C4	repeat	chrY	12889488	12889749	14379486	14379747
Y-GATA-C4	repeat	chrY	12889488	12889749	14379486	14379747

			hg18 hg19_2			
Y-GATA-C4	repeat	chrY	12889488	12889749	14379486	14379747
Y-GATA-H4	repeat	chrY	17252778	17253145	18743384	18743751
Y-GATA-H4	repeat	chrY	17252778	17253145	18743384	18743751
Y-GATA-H4_NA07022	snp	chrY	17252778	17253145	18743384	18743751
Y-GATA-H4_NA07022	snp	chrY	17252778	17253145	18743384	18743751
YCAII_1	repeat	chrY	18131477	18131634	19622083	19622240
YCAII_2	repeat	chrY	19016926	19017075	20557538	20557687
YCAIII_1	repeat	chrY	14608458	14608631	16099064	16099237
YCAIII_2	repeat	chrY	14676647	14676820	16167253	16167426